



Aider les chercheurs à trouver ce dont ils ont besoin quand ils en ont besoin

Repérer l'information plus vite, c'est découvrir plus rapidement

Titre du projet : CBRASS: Ressources canadiennes en bioinformatique et services sémantiques

Maître d'œuvre : University of British Columbia

Contribution de CANARIE : 927 000 \$

Participants:

- Carleton University, Ottawa (Ontario)
- University of New Brunswick, St John (Nouveau-Brunswick)

What is CBRASS?

Le projet CBRASS met au point un cadre commun pour les ressources en biologie et en bioinformatique offertes en ligne au Canada. CBRASS simplifiera l'accès à une gamme de données biologiques et à des services d'analyse complexes en bioinformatique afin que les chercheurs trouvent et exploitent plus facilement les données et les services. S'ensuivra une accélération des recherches faisant un usage intensif des données.

CBRASS permet de combiner de manière invisible les données et les services de diverses sources en exploitant de nouvelles descriptions que déchiffrent les machines. Ces descriptions s'appuient sur une ontologie formelle qui saisit l'essence des connaissances en biologie, auxquelles les machines et les experts qui analysent et poursuivent les recherches ont aisément accès.

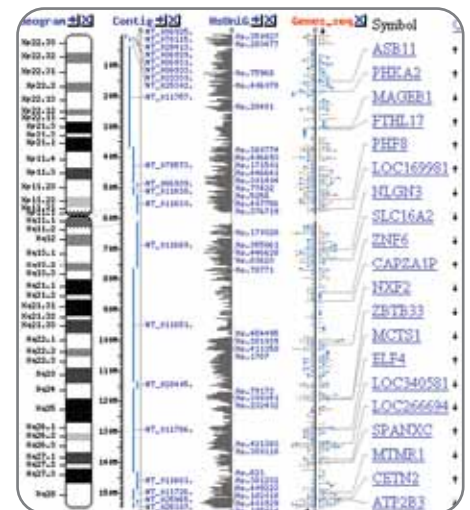
Grâce au réseau à ultra haute vitesse de CANARIE, les utilisateurs recourent à des interfaces et à des outils logiciels polyvalents, orientés services, qui leur permettent de repérer, d'exploiter et d'intégrer plus facilement les ressources en biologie.

Utilité pour la recherche et pour le Canada :

- Réduit les coûts et optimise les sommes antérieurement ou nouvellement injectées dans la R-D grâce à un accès efficace aux données et aux outils, et à la réutilisation de ceux-ci par les scientifiques du secteur de la santé
- Propulsera le Canada sur le devant de la scène en mettant ces technologies émergentes à la disposition des fournisseurs de services de bioinformatique partout au pays
- Réduira le coût de la recherche par l'application facile des nouveaux logiciels à d'autres domaines scientifiques

Le saviez-vous?

Grâce à SHARE, il est possible de poser des questions sur des données qui n'existent pas encore – ce client Web identifie et interpelle les services d'analyse nécessaires pour produire automatiquement les données qui répondront à la question!



Carte du chromosome X humain. L'assemblage du génome humain est l'une des plus grandes réalisations de la bioinformatique. *Source : National Center for Biotechnology Information*

Bioinformatique (n.) – l'application de l'informatique et des technologies de l'information à la biologie.